プログラム

9月11日（月）（*はショートトーク）

（ロングトークは発表9分、ショートトークは発表5分、討論は各3分です）

12:00　受付開始
12:50　開会、事務連絡

セッションⅠ：シグナル伝達・ストレス応答（Ⅰ）［座長：吉田知史、荒木保弘］

13:00　Ⅰ-1　Pkc1キナーゼとPP2Aホスファターゼの拮抗がRho1 GTPaseの出力シグナルを安定化させる
◯吉田知史
（群馬大・未来先端研究機構）

13:12　Ⅰ-2　液胞を介した細胞周期制御におけるTORC1経路に関わる新規キナーゼの解析
◯神　唯[1,2]、神奈亜子[2]、Lois S. Weisman[2]、大隅良典[1]
（[1]東京工業大学・科学技術創成研究院・細胞制御工学センター、[2] Life Sciences Institute, University of Michigan, USA）

13:24　Ⅰ-3　Pib2を介したTORC1活性化経路とアミノ酸感知機構
鵜飼洋史[1]、◯荒木保弘[2]、吉良新太郎[2]、及川　優[3]、野田健司[1,2]
（[1]阪大・院歯・フロンティア、[2]阪大・院生命、[3]東工大・科学創生・細胞制御）

13:36　Ⅰ-4　出芽酵母の選択的ミトコンドリア分解はTORを介して誘導される
劉　洋、◯岡本浩二
（阪大・院生命機能・ミトコンドリア動態学）

13:48　Ⅰ-5*　Tel2はPIKKタンパク質群の発現を維持し正常なストレス応答を保障する
竹下由美子、杉本静香、井上春奈、◯加納純子
（大阪大・蛋白質研究所）

13:56　Ⅰ-6　真菌類に保存される温度応答関連因子Trj1の機能
◯岡本　尚[1]、仁木宏典[1,2]
（[1]遺伝研・系統生物、[2]総研大・遺伝学）

14:08 ～ 14:23　休憩

セッションⅡ：エンドサイトーシス・輸送　［座長：黒川量雄、上村聡志］

14:23　Ⅱ-1*　エンドサイトーシス経路におけるRab5依存的なPtdIns(3)Pの調節機構
○草苅健太[1]、青嶋海斗[1]、鱧屋隆博[1]、長野　真[1]、十島純子[2]、十島二朗[1]
（[1]東京理大・基礎工・生物工、[2]東京工科大・医療保健）

14:31　Ⅱ-2　エンドソームを経由するYpt31p／Ypt32pの細胞膜輸送経路の解析
○長野　真[1]、十島純子[1,2]、十島二朗[1]
（[1]東京理科大・基礎工・生物工、[2]東京工科大・医療保健）

14:43　Ⅱ-3　減数分裂時におけるRabファミリー small GTPase Ypt2の
SPB局在機構の解析
○今田一姫[1,2]、中村太郎[2]
（[1]鈴鹿高専・生物応用化学、[2]大阪市立大・院理・生物地球系）

14:55　Ⅱ-4　積荷タンパク質のゴルジ体槽間輸送機構
○黒川量雄[1]、中野明彦[1,2]
（[1]理研・光量子・生細胞超解像、[2]東大・院理・生物科学）

15:07　Ⅱ-5　出芽酵母の高圧増殖におけるEGO複合体-TOR複合体1経路の役割
○上村聡志[1]、雨宮賢吾[2]、黒坂豪祐[2]、望月貴博[2]、阿部文快[2]
（[1]東北医薬大・医、[2]青山学院・理工）

15:19　Ⅱ-6　酵母の高圧増殖に関与する未知遺伝子の機能と遺伝子間ネットワーク
黒坂豪祐[1]、望月貴博[1]、小崎友梨[1]、上村聡志[2]、○阿部文快[1]
（[1]青山学院大・理工、[2]東北医科薬科大・医）

15:31 ～ 15:46　休憩

セッションⅢ：オートファジー・ユビキチン　［座長：八代田英樹、古川健太郎］

15:46　Ⅲ-1　HECT型ユビキチンリガーゼHul5は変異型SOD1の核外排出に関与する
大東宣貴、平山尚志郎、○八代田英樹、村田茂穂
（東大・薬・蛋白質代謝）

15:58　Ⅲ-2　リボソームユビキチンコードによる翻訳品質管理の分子機構
○稲田利文
（東北大・院薬・遺伝子制御薬学）

16:10　Ⅲ-3　rDNA escapes from nucleophagy after TORC1 inactivation
Md. Golam Mostofa, Muhammad Arifur Rahman, ○Takashi Ushimaru
（Grad. Sch. of Sci. and Tech., Shizuoka Univ.）

16:22　Ⅲ-4　ミトコンドリアオートファジーレセプター Atg32の負の制御機構
○古川健太郎、神吉智丈
（新潟大院・医）

16:34　Ⅲ-5*　アセチルCoA合成代謝によるメタノール資化性酵母の細胞応答制御
○大澤　晋、西田　晋、由里本博也、阪井康能
（京大院農・応用生命）

セッションⅣ：染色体・クロマチン　［座長：飯田哲史、山田貴富］

16:42　Ⅳ-1　リボゾームRNA遺伝子リピートのコピー数に応答した*SIR2*発現制御機構
○飯田哲史、小林武彦
（東大・分生研・ゲノム再生）

16:54　Ⅳ-2　セントロメアやサブテロメアの動態に影響を及ぼす因子の解析
伊藤寛朗[1]、Satoshi Mizukawa[1]、鈴木沙弥香[2]、菅原武志[3]、難波利典[3]、
楯　真一[2,3]、○上野　勝[1,3]
（[1]広大・院先端物質・分子生命、[2]広大・院理学・数理分子生命、
[3]広大・クロマチン動態数理研究拠点）

17:06　Ⅳ-3　分裂酵母ヒストンH3K4メチル化酵素Set1複合体の
減数分裂期組換えへの関与
○山田貴富[1]、太田邦史[2]、村上浩士[1]
（[1]中央大・理工・生命、[2]東大・総合文化・広域科学）

17:18 ～ 17:33　休憩

セッションⅤ：代謝・寿命制御（Ⅰ）　［座長：川島茂裕、佐二木健一］

17:33　Ⅴ-1　リボソーム生合成に必須なAAA+タンパク質Midasinの低分子阻害剤の
同定と機能解析
○川島茂裕[1,2]、Zhen Chen[2]、青井勇樹[1]、小林由紀[1]、Tarun M. Kapoor[2]
（[1]東京大学大学院薬学系研究科、[2]The Rockefeller University）

17:45　V-2　グルタチオンストレス耐性に着目したグルタチオン高生産性酵母の作出
◯安川泰史[1]、野田陽一[2]、山﨑百合子[1]、岩切　亮[1]、増尾直久[1]、
足立博之[2]、依田幸司[2]
([1]興人ライフサイエンス（株)、[2]東大院・農生科・応生工)

17:57　V-3*　出芽酵母キヌレン酸欠乏株の構築とそのトリプトファン感受性
◯大橋一登[1]、高稲正勝[1,2]、吉田知史[1,2]
([1]群大・生調研、[2]群大・未来先端)

18:05　V-4*　A conserved metabolic mechanism contributing to quiescence survival in *S. pombe*
◯Caroline Starzynski, Kenichi Sajiki, Ayaka Mori,
Mitsuhiro Yanagida
(Okinawa Institute of Science and Technology Graduate University)

18:13　V-5　メチル基供与体S-アデノシルメチオニンの合成欠損がもたらす細胞表現型
林　武志、◯柳田充弘
(沖縄科学技術大学院大学・G0細胞ユニット)

18:25 ～ 19:25　ポスター発表（奇数番号）

19:30 ～　運営委員会

9月12日（火）(* はショートトーク)

（ロングトークは発表9分、ショートトークは発表5分、討論は各3分です）

セッションⅥ：学生発表賞エントリー演題（Ⅰ）　［座長：小川哲弘、田中直孝］

9:00　Ⅵ-1*　ラパマイシンに応答したリボソーム分解機構の解析
◯山田陸翠、赤川博文、陣内　凱、島日佳理、小川哲弘
(東大院・農生科・応生工)

9:08　Ⅵ-2　Slm1はストレス適応において異なる二つの経路を制御する
◯橋井圭介、八重佳織、津田遼平、田中直孝、田淵光昭
(香川大・農・応用生物)

9:20　Ⅵ-3*　スフィンゴ脂質の機能解明を目指した化学遺伝学的解析：エキノマイシン類の取得とその表現型
◯生田実沙、伊藤愛理、西村慎一、掛谷秀昭
(京大院薬)

9:28　Ⅵ-4*　抗菌作用が消失する長鎖アルコールのカットオフ現象の解析
◯松本惇志、寺島一郎、上園幸史
(東大・院理・生物科学)

9:36　Ⅵ-5*　メタノール誘導性転写活性化因子Mpp1の発現制御機構
◯井上紘一、小田沙織、由里本博也、阪井康能
(京大・院農・応用生命)

9:44　Ⅵ-6*　出芽酵母のS-アデノシルメチオニントランスポーターSAM3が関与する寿命制御機構の解析
◯種谷麻由佳[1]、小川貴史[1]、金井宗良[2]、久米一規[1]、藤井　力[2]、
曽我朋義[3]、水沼正樹[1]
([1]広島大院・先端物質・分子生命、[2]酒総研、[3]慶應大・先端生命)

9:52 ～ 10:07　休憩

セッションⅦ：学生発表賞エントリー演題（Ⅱ）　［座長：山田貴富、野村　亘］

10:07　Ⅶ-1　RNA splicingを介したテロメアタンパク質の新規発現制御メカニズムの発見
◯竹内美穂、加納純子
(大阪大学、蛋白質研究所)

10:19　Ⅶ-2*　病原性真菌 *Cryptococcus neoformans* の細胞増殖における
テロメラーゼ依存性
◯久保田俊介[1]、高田実里[1]、今成百利子[1]、東江昭夫[2]、高橋弘喜[2]、
川本　進[2]、亀井克彦[2]、松浦　彰[1,3]
([1]千葉大・院融合科学・ナノバイオ、[2]千葉大・真菌医学セ、
[3]千葉大・院理学)

10:27　Ⅶ-3　分裂酵母の定常期における栄養飢餓耐性と染色体状態の変化
◯平岡幹章[1]、野津裕佑[1]、佐藤研太[2]、山口　彩[2]、Afrin Sadia[1]、
清田由紀[2]、山本　歩[1,2]
([1]静大院・総合科学・理、[2]静大・理・化学)

10:39　Ⅶ-4　キアズマによる染色体とスピンドルの結合制御機構の解明
◯西絵里子、板橋裕太、勝俣和大、平安亜美、山本　歩
(静大院・総合科学・理)

10:51　Ⅶ-5　減数分裂におけるキネトコアの結合制御機構の解明
◯南部将志、市川絢登、佐藤憲亮、日野原裕美、山本　歩
(静大院・総合科学・理)

11:03　Ⅶ-6　減数分裂時のDNA複製と相同組換えを連携するチェックポイント
◯小菅清二[1]、山田貴富[1]、饗場浩文[2]、村上浩士[1]
([1]中央大・理工・生命、[2]名古屋大・創薬)

11:15 ～ 11:30　休憩

セッションⅧ：学生発表賞エントリー演題（Ⅲ）［座長：湯川格史、長野　真］

11:30　Ⅷ-1　分裂酵母核膜タンパク質Lem2とBqt4の協調的機能の解析
◯衣笠泰葉[1]、平野泰弘[1]、淺川東彦[1]、近重裕次[2]、原口徳子[1,2]、
平岡　泰[1,2]
([1]大阪大・生命機能、[2]NICT・未来ICT)

11:42　Ⅷ-2*　分裂酵母の微小管ポリメラーゼ複合体Alp7/TACC-Alp14/TOGによる
新たな双極性紡錘体形成機構
◯河上友基[1]、登田　隆[1,2]、湯川格史[1,2]
([1]広島大・院先端研・分子生命、[2]広島大学健康長寿研究拠点)

11:50　Ⅷ-3*　分裂酵母Kinesin-5/Cut7の温度感受性変異を抑圧する変異株の解析
◯山田侑亮[1]、登田　隆[1,2]、湯川格史[1,2]
([1]広島大学・院先端研・分子生命、[2]広島大学健康長寿研究拠点)

11:58　Ⅷ-4　出芽酵母の重力への適応メカニズムに関する研究
◯根本翔太、大貫慎輔、大矢禎一
(東大・院新領域・先端生命)

12:10 ～ 13:10　昼食

13:10 ～ 14:10　ポスター発表（偶数番号）

セッションⅨ：学生発表賞エントリー演題（Ⅳ）［座長：奥　公秀、西村慎一］

14:10　Ⅸ-1*　ミクロオートファジーに必要なユビキチンリガーゼの解析
◯中川沙良、奥　公秀、阪井康能
(京大院農・応用生命)

14:18　Ⅸ-2　高速形態解析システムを用いた出芽酵母オートファジー変異体の解析
◯河岡辰弥[1]、大貫慎輔[1]、大矢禎一[1]、鈴木邦律[1,2]
([1]東大・院新領域・先端生命、
[2]東大・院新領域・バイオイメージングセンター)

14:30　Ⅸ-3　Atg4を介した隔離膜伸展機構の解析
◯平田恵理[1]、鈴木邦律[1,2]
([1]東大・院新領域・先端生命、
[2]東大・院新領域・バイオイメージングセンター)

14:42　Ⅸ-4　オートファジーによる核膜孔複合体／ヌクレオポリンの分解
◯富岡優衣[1]、桐浴裕巳[1]、及川　優[2]、木村弥生[3]、平野　久[3]、
大隅良典[2]、中戸川仁[1]
([1]東工大 生命理工学院、[2]東工大 科学技術創成研究院、
[3]横浜市立大 生命医科学研究科)

14:54　Ⅸ-5　哺乳類Eps15ホモログPan1pの仲介するクラスリン小胞の
アクチン依存的な輸送機構の解明
◯吉田奈央[1]、長野　真[1]、十島純子[2]、十島二朗[1]
([1]東京理科大学・基礎工・生物工、[2]東京工科大・医療保健)

15:06　Ⅸ-6　トリプトファン輸送体Tat2における基質輸送能とユビキチン依存分解の関係
◯石井凌賀[1]、天野香織[1]、野際佳奈[1]、望月貴博[1]、上村聡志[2]、阿部文快[1]
([1]青山学院大・理工、[2]東北医科薬科大・医)

15:18　Ⅸ-7　出芽酵母の形態表現型に強い影響を与える遺伝子変異株の網羅的解析
◯鈴木吾大、王　洋、大貫慎輔、大矢禎一
(東大・院新領域・先端生命)

15:30 ～ 15:45　休憩

セッションⅩ：新技術・イメージング・リソース　[座長：高山優子、高稲正勝]

15:45　Ⅹ-1*　油脂生産酵母の分子遺伝学解析の試み
◯高山優子、三好奈美子
(帝京大学・バイオ)

15:53　Ⅹ-2*　出芽酵母を出発点に様々な生物で発現する遺伝子コンストラクトを作製する
◯中村美紀子[1,2]、相原惇也[1]、美澄幸恵[1]、星田尚司[1]、赤田倫治[1]
([1]山口大院・創成科学・化学系・、[2]現：富士レビオ)

16:01　Ⅹ-3　CRISPR/Transposon gene integration (CRITGI) による染色体への遺伝子導入法の確立
◯増本博司
(長崎大学医学部共同利用研究センター)

16:13　Ⅹ-4　DNAバーコードによる分子・細胞動態計測の加速
◯谷内江望
(東大・先端研)

16:25　Ⅹ-5　非ストレス環境における成長と死のトレードオフ関係
◯中岡秀憲、若本祐一
(東大・院・総合文化)

16:37　Ⅹ-6　分裂酵母の中でジャポニカスにのみ存在する遺伝子群の解析
◯青木敬太、野崎晋五、岡本　尚、仁木宏典
(遺伝研・系統生研セ・原核生物遺伝)

16:49　Ⅹ-7　出芽酵母の細胞内ATP濃度変動を制御する仕組み
◯高稲正勝[1]、今村博臣[2]、吉田知史[1]
([1]群馬大・未来先端研究機構、[2]京都大・院生命科学・高次生体統御学)

17:01　Ⅹ-8　ナショナルバイオリソースプロジェクト (NBRP) 酵母2017
◯中村太郎[1]、北村憲司[3]、下田　親[1]、金子嘉信[2]、◯杉山峰崇[2]
([1]大阪市立大・院理、[2]大阪大・院工、[3]広大・自然科学研セ)

17:13 ～ 17:28　休憩

セッションⅪ：シグナル伝達・ストレス応答 (Ⅱ)　[座長：須田恭之、佐藤亮介]

17:28　Ⅺ-1　HOG経路は複合スフィンゴ脂質生合成破綻による機能障害の補填に関与する
山口雄太郎[1]、甲木佑佳[1]、川口諒太郎[1]、田中聖也[1]、池田拓真[2]、船戸耕一[2]、◯谷　元洋[1]
([1]九州大院・理・化学、[2]広島大院・生物圏)

17:40　Ⅺ-2　RNA結合タンパク質Rnc1の空間制御機構とMAPKシグナルの関わり
◯佐藤亮介、原　伸樹、萩原加奈子、高崎輝恒、杉浦麗子
(近畿大・薬・分子医療・ゲノム創薬学)

17:52　Ⅺ-3　酵母遺伝学の創薬への応用：ERK MAPKシグナル経路 (パスウェイ) 標的薬ACA-28の発見と新たながん治療戦略
◯杉浦麗子、佐藤亮介、松浦一貴、萩原加奈子、神田勇輝、高崎輝恒
(近畿大・薬・分子医療・ゲノム創薬学)

18:04　Ⅺ-4　ポリA分解酵素Ccr4は*LRG1* mRNAのポリ(A)鎖長と翻訳を制御する。
Duong Long Duy、須田恭之、◯入江賢児
(筑波大学・院人間総合・分子細胞生物学)

18:16　Ⅺ-5　酵母に見出した一酸化窒素の合成制御機構と細胞死誘導メカニズムの解析
◯吉川雄樹、那須野亮、高木博史
(奈良先端大・バイオ)

18:28　Ⅺ-6　酵母Hog1のストレス顆粒への隔離機構とその生理機能
白石晃將、日置貴大、由里本博也、◯阪井康能
(京大・院農・応用生命)

18:40 ～ 18:45　学生発表賞表彰式

18:45 ～ 19:15　総会

19:30 ～　懇親会

◎ポスターは18:00までに必ず撤去してください。

9月13日（水）（* はショートトーク）

（ロングトークは発表9分、ショートトークは発表5分、討論は各3分です）

セッションⅫ：核・細胞構造　［座長：堀籠智洋、久米一規］

9:00　Ⅻ-1　分裂酵母に特異的な核膜孔複合体の構造と機能
◯淺川東彦[1]、糀谷知子[2,3]、楊　恵如[1]、小坂田裕子[2]、大槻千鶴[1]、長尾恒治[4,5]、小布施力史[4,5]、岩本政明[2]、平岡　泰[1,2]、原口徳子[1,2]
（[1]阪大・院生命機能、[2]情報通信研究機構、[3]日本女子大・理、[4]北大・生命科学院、[5]阪大・院理）

9:12　Ⅻ-2　リボソームRNA遺伝子はDNA複製阻害タンパク質Fob1に依存して核膜に結合する
◯堀籠智洋[1]、鵜ノ沢絵理[2,3]、大木孝将[1]、小林武彦[1,2,3]
（[1]東大・分生研・ゲノム再生、[2]遺伝研、[3]総研大）

9:24　Ⅻ-3　ステロールを標的にする抗真菌化合物セオネラミドによる細胞壁異常
◯西村慎一[1]、徳倉将人[1]、掛谷秀昭[1]、松永茂樹[2]、大隅正子[3,4]、生瀬義久[5]、Vanessa S. D. Carvalho[6]、Juan C. G. Cortés[6]、Juan. C. Ribas[6]
（[1]京大院薬、[2]東大院農、[3]綜合画像研究支援、[4]日本女子大、[5]日立ハイテク、[6]Universidad de Salamanca）

9:36　Ⅻ-4　出芽酵母胞子壁におけるジチロシン層形成機構の解析
Bemena D. Leo、Mukama Omar、高　暁冬、◯中西秀樹
（江南大・生物工程）

9:48　Ⅻ-5　5型キネシンに依存しない新規紡錘体形成経路の探索
◯湯川格史[1,2]、河上友基[1]、岡崎雅紀[1]、登田　隆[1,2]
（[1]広島大・院先端研・分子生命、[2]広島大学健康長寿研究拠点）

10:00　Ⅻ-6　分裂酵母の細胞形態形成ネットワークによる微小管制御機構の解析
西川健二[1]、水沼正樹[1]、平田　大[1,2]、◯久米一規[1]
（[1]広島大・先端研・分子生命、[2]朝日酒造）

10:12 ～ 10:27　休憩

セッションXIII：代謝・寿命制御（Ⅱ）［座長：野田陽一、西村　明］

10:27　XIII-1　分裂酵母の暦寿命を維持するセラミド転換酵素Cwh43は中性脂肪の蓄積を抑える
◯中沢宜彦[1]、照屋貴之[1]、佐二木健一[1]、熊田和貴[1]、新川織江[1]、髙田順子[1]、齋藤成昭[2]、柳田充弘[1]
（[1]沖縄科学技術大学院大・G0細胞ユニット、[2]久留米大・分子生命科学研究所）

10:39　XIII-2　フォークヘッド転写因子Fhl1pはリボヌクレオチド還元酵素*RNR1*遺伝子の転写を介して分裂寿命を制御する
田井晶子、亀井優香、◯向　由起夫
（長浜バイオ大・バイオサイエンス）

10:51　XIII-3　ビタミンB_6合成酵素および取込み酵素による分裂寿命制御機構
◯亀井優香[1]、十一智教[2]、山本聡一郎[2]、向　由起夫[1]
（[1]長浜バイオ大・バイオサイエンス、[2]長浜バイオ大・院・バイオサイエンス）

11:03　XIII-4　酵母における活性イオウ分子種：システインパースルフィドの産生とその生理的役割
◯西村　明[1]、吉川雄樹[2]、那須野亮[2]、松永哲郎[1]、井田智章[1]、守田匡伸[1]、藤井重元[1]、高木博史[2]、赤池孝章[1]
（[1]東北大・院医・環境保健医学、[2]奈良先端大・バイオ）

11:15 ～ 11:30　休憩

セッションXIV：細胞周期・有性生殖　［座長：竹内（安東）知子、清家泰介］

11:30　XIV-1　G0期進入制御にかかわる二つの遺伝子群SHKとGZE
◯佐二木健一[1]、田原由莉亜[1]、上原理沙[1]、柳田充弘[1]
（[1]沖縄科学技術大学院大学・G0細胞ユニット）

11:42　XIV-2　Regulation of re-starting the cell cycle progression in stress
◯Natsuko Jin[1]、Yui Jin[2]、Lois Weisman[1]
（[1] Life Sciences Institute, University of Michigan、[2]Research Center for Cell Biology, Institute of Innovative Research, Tokyo Institute of Technology）

11:54　XIV-3*　細胞周期G_1期に関わる*MSA1* mRNAは出芽酵母でbud-tipに運ばれる
◯竹内（安東）知子[1]、早野（大城）夕希子[2]、西吉恵美[1]、牟田園正敏[2]、林紗千子[1]、谷　時雄[2]
（[1]大妻女子大短・家政、[2]熊本大・自然科学）

12:02　XIV-4　分裂酵母のフェロモン多様性における非対称な進化
◯清家泰介、仁木宏典
（遺伝研・系統生物）

12:14　XIV-5　接合における細胞接着タンパク質（アドヘジン）の機能
◯下田　親
（大阪市立大学・大学院理学研究科・酵母遺伝資源センター）

12:26　閉会

ポスター発表（* は学生発表賞エントリー演題）

シグナル伝達・ストレス応答

P01* 酵母Greatwallプロテインキナーゼを介したアルコール発酵調節経路
◯梶原拓真[1]、渡辺大輔[1]、武田鋼二郎[2]、建部　恒[1]、塩﨑一裕[1]、高木博史[1]
（[1]奈良先端大・バイオ、[2]甲南大・理工）

P02 酵母アルコール発酵制御遺伝子のゲノムワイド探索から明らかになった
リン酸-炭素代謝クロストーク調節
◯渡辺大輔、高木健一、吉岡直哉、杉本幸子、高木博史
（奈良先端大・バイオ）

P03* MAPKシグナル抑制因子であるRNA結合タンパク質Rnc1とストレス顆粒との関係
◯原　伸樹、佐藤亮介、萩原加奈子、高崎輝恒、杉浦麗子
（近畿大・薬・分子医療・ゲノム創薬学）

P04* Ca^{2+}ホメオスタシスを介するオートファジー遺伝子とMAPKシグナル経路の関わり
◯嶋田絵理香、萩原加奈子、高崎輝恒、佐藤亮介、杉浦麗子
（近畿大学・薬　分子医療ゲノム創薬学）

P05* DEAD box型RNAヘリケースDed1によるMAPKシグナル抑制機構
◯永井善紀、神田勇輝、松本紗希、犬塚夏実、池田智里、土屋葵子、佐藤亮介、
高崎輝恒、杉浦麗子
（近畿大学・薬　分子医療ゲノム創薬学）

P06* 出芽酵母におけるセラミド合成制御機構の解析
◯石野裕子[1]、吉川大地[1]、谷　元洋[2]、橋井圭介[1]、田中直孝[1]、田淵光昭[1]
（[1]香川大・農・応用生物、[2]九州大院・理・化学）

P07* Sur7 familyタンパク質とPil1はeisosomeにおいて正常な
plasma membrane integrityの維持に機能する
◯坂田健太郎[1]、橋井圭介[1]、田原悠平[2]、宮田真人[2]、田中直孝[1]、田淵光昭[1]
（[1]香川大・農・応用生物、[2]大阪市立大・院理・生物地球系）

P08* 多数回膜貫通蛋白質の凝集によるUnfolded protein response誘起のメカニズム
◯木戸裕之、木俣（石渡）有紀、木俣行雄
（奈良先端大 バイオ）

P09 出芽酵母小胞体ストレスにおけるAMPK制御サブユニットの発現制御と機能
◯木村雄一、入江賢児、水野智亮
（筑波大学、医学医療系）

P10* 高濃度エタノールストレス下で優先的に翻訳される*BTN2*の解析とその応用
◯加藤沙枝、山内雪菜、井沢真吾
（京都工繊大・院工芸科学・応用生物）

P11* 高濃度エタノールストレスに応答した細胞骨格セプチンの局在異常とその解析
◯穂本聖奈、井沢真吾
（京都工繊大・院工芸科学・応用生物）

P12* 翻訳抑制ストレス下における優先的翻訳機構の解析
◯石田陽子、Trinh Thi My Nguyen、井沢真吾
（京都工繊大・院工芸科学・応用生物）

P13* キナクリンは出芽酵母でグルコース飢餓様作用を引き起こす
◯北川智久、寺島一郎、上園幸史
（東京大学・院理・生物科学）

P14* 酸化ストレスに応答したEndosulfineホモログIgo1の役割
◯田原彩花[1]、萩原加奈子[1]、石田紘基[1]、廣井　遥[1]、佐藤亮介[1]、Dieter Wolf[2]、
杉浦麗子[1]
（[1]近畿大学・薬　分子医療ゲノム創薬学、
[2]Sanford Burnham Prebys Medical Discovery Institute）

P15* 出芽酵母モノカルボン酸輸送体をコードする*JEN1*遺伝子mRNAのグルコースに
応答した翻訳抑制における3′非翻訳領域UTRの寄与
◯高橋俊貴、竹越祐太郎、五味勝也、新谷尚弘
（東北大・院農・生物産業創成科学）

P16* 転写因子Rst2の高発現による細胞への影響
◯竹中航平、川向　誠、松尾安浩
（島根大学・生物資・生命工）

P17 出芽酵母に圧力センサーはあるのか？
◯望月貴博、阿部文快
（青山学院大・理工）

P18* *n*-アルカン資化酵母 *Yarrowia lipolytica* のSec14ファミリータンパク質の機能解析
◯渡邉夏仁、水池　彩、堀内裕之、福田良一
（東大院・農生科・応生工）

P19 *Candida boidinii* Hap複合体構成因子の核局在化機構
◯由里本博也、池田竜太、小田沙織、阪井康能
（京大院農・応用生命）

P20 韓国伝統的麹 *Nuruk* から単離された酵母 *Pichia kudriavzevii* N77-4の機能解析
◯杉山峰崇[1]、高島匠平[1]、宮下夏美[1]、石田　圭[1]、深谷　健[1]、Baek Seongyeol[2]、Yeo Soo-Hwan[2]
（[1]阪大・院工・生命先端、[2]Dept. Agro-food Resource・NAAS・RDA）

P21 白神こだま酵母より分離した胞子クローンの酸化ストレス耐性メカニズム
◯中沢伸重[1]、金田絵里[1]、高橋慶太郎[2]
（[1]秋田県大院・生資、[2]秋田総食研）

P22* 出芽酵母におけるTORC1情報伝達の液胞依存性
◯武田英吾[1]、松浦　彰[1,2]
（[1]千葉大・院融合科学・ナノバイオロジー、[2]千葉大・院理学）

P23 Pib2を介したTORC1活性化機構の解析
◯谷川美頼、前田達哉
（東大・分生研）

P24 Cdc42が関与する出芽酵母TOR複合体2シグナルの解析
◯野村　亘[1,2]、後藤　剛[1,2]、高原照直[3]、前田達哉[4]、河田照雄[1,2]、井上善晴[5]
（[1]京大院・農・食品生物、[2]京大・生理化学研究ユニット、
[3]名大院・生命農・応用分子生命科学、[4]東大・分生研、[5]京大院・農・応生科）

代謝・寿命制御

P25 出芽酵母の寿命制御に関わるメチル基転移酵素の探索とその解析
橋本沙也加、◯小川貴史[1]、椿山諒平[1]、金井宗良[2]、水沼正樹[1]
（[1]広島大院・先端研・分子生命、[2]酒総研）

P26* 出芽酵母のPho85サイクリンによる分裂寿命制御
◯森松貴輝、向　由起夫
（長浜バイオ大院・バイオサイエンス）

P27* 出芽酵母の酸性ホスファターゼによる分裂寿命制御
◯中島俊雄、向　由起夫
（長浜バイオ大、バイオサイエンス）

P28* マイコウイルス由来遺伝子をパン酵母に異種発現させた時に現れる生育促進の解析
◯原　和弘[1]、井上水優[1]、月本竣司[1]、一ノ瀬俊[1]、木村優里[1]、浦山俊一[1]、
岡田　亮[1]、福原敏行[1]、東江昭夫[2]、川本　進[2]、森山裕充[1]
（[1]農工大・院農・細胞分子、[2]千葉大・真菌セ）

染色体・クロマチン

P29 分裂酵母ヘテロクロマチン形成におけるRNAi分子機構の解析
◯林　亜紀[1]、中山潤一[2]、田中克典[1]
（[1]関西学院大学・理工・生命科学、[2]基生研・細胞生物学・クロマチン制御）

P30 ヒストンH2Aマロニル化を介した染色体分配制御機構の解析
◯石黒伸茂、小林由紀、田辺佳奈、山次健三、金井　求、川島茂裕
（東大・院薬、JST-ERATO）

P31 DNA損傷誘導的な姉妹染色分体接着における核膜孔複合体の関与
◯尾間由佳子[1]、折原行希[1]、小西辰則[1]、堀籠智洋[2]、Susan Gasser[3]、原田昌彦[1]
（[1]東北大・院農・分子生物、[2]東大・分生研、[3]FMI, Basel）

P32* テロメア短縮によって誘導されるDNA損傷応答における *PPH3* の機能解析
◯三浦敦宏[1]、松浦　彰[1,2]
（[1]千葉大・院融合科学、[2]千葉大・院理学）

P33* Sgo2によるサブテロメア複製タイミング制御機構の解明
◯山本真悠子、加納純子
（大阪大学　蛋白質研究所）

P34 コヒーシンアセチル化酵素Eco1はMcmヘリケースを介して複製装置と結合する
◯吉村充騎、須谷尚史、白髭克彦
（東京大・分生研）

P35 Function of Scc2 in transcriptional regulation when binding with RNA
◯Nguyen Anh Sao、Katou Yuki、Shirahige Katsuhiko
（The University of Tokyo, Tokyo, Japan）

P36　コヒーシンを介した減数分裂期における染色体の高次構造形成機構
◯作野剛士[1,2]、渡邊嘉典[1]、平岡　泰[2]
([1]東大・分生研、[2]阪大・生命機能)

P37　ヒストンH2Aの不足が染色体の不分離を引き起こす
山本孝治[1]、長濵有紀[1]、原口徳子[1,2]、◯平岡　泰[1,2]
([1]NICT・未来ICT、[2]大阪大・生命機能)

核・細胞構造

P38*　出芽酵母細胞内のβ-1,6-glucan分解酵素の探索
◯北澤陽一郎[1]、永田晋治[2]、足立博之[1]、依田幸司[1]、野田陽一[1]
([1]東大院・農生科・応生工、[2]東大院・新領域・先端生命)

P39*　出芽酵母前胞子膜伸長におけるPI4Pの役割の解析
◯中村　毅、舘川宏之
(東大院・農生科・応生化)

P40*　酵母*Yarrowia lipolytica*の*n*-アルカンへの吸着と細胞形態に関する研究
◯石丸千晶、岩間　亮、堀内裕之、福田良一
(東大院・農生科・応生工)

P41*　分裂酵母の収縮環ではたらくα-アクチニンAin1の機能と性質
◯森田陸離[1]、高稲正勝[1,2]、沼田　治[1]、中野賢太郎[1]
([1]筑波大・院生命環境科学・生物科学、[2]群馬大・未来先端研究機構)

P42　分裂酵母*Schizosaccharomyces pombe*のアクチン制御因子Cap1の機能解析
◯酒井祐貴子[1]、高稲正勝[1,2]、中野賢太郎[1]
([1]筑波大・生命環境科学・生物科学、[2]群馬大・未来先端研究機構)

P43　分裂酵母のG0期誘導過程におけるミトコンドリアDNA損傷量の動態の解析
◯中村あとり、大山恵理子、河野真二、池田正五
(岡山理大・理・生物化学)

オートファジー・ユビキチン

P44*　Rsp5アダプタータンパク質Art4によるモノカルボン酸輸送体Jen1 C-tail認識と標的のユビキチン化制御機構の解析
◯藤田翔貴、五味勝也、新谷尚弘
(東北大・院農・生物産業創成科学)

P45*　持続的熱ストレスに対する液胞の陥入構造の亢進
◯石井彩音、川井理仁、野田遥香、竹田航平、木村洋子
(静大院・総合科学・農)

P46*　オートファゴソームと液胞の融合におけるYkt6の関与
◯浦野真吾、菊地のぞみ、五味勝也、新谷尚弘
(東北大・院農・生物産業創成科学)

P47*　出芽酵母におけるオートファゴソーム形成過程の包括的解析
◯李　楚寧[1]、河岡辰弥[1]、鈴木邦律[1,2]
([1]東大・院新領域・先端生命、[2]東大・院新領域・バイオイメージングセンター)

P48　液胞内での膜オルガネラ分解に関わるAtg15の解析
白井　亨[1]、児玉史人[1]、◯鈴木邦律[1,2]
([1]東大・院新領域・先端生命、[2]東大・院新領域・バイオイメージングセンター)

P49*　オートファジーによる小胞体の選択的分解の分子機構
◯持田啓佑、中戸川仁
(東京工業大学生命理工学院)

P50*　オートファゴソーム形成におけるAtg9小胞とAtg2-Atg18複合体の相互作用メカニズムの解析
◯土屋聡明、小谷哲也、中戸川　仁
(東工大・生命理工学院)

P51　オートファゴソーム形成におけるAtg2の機能解析
◯小谷哲也[1]、大隅良典[2]、中戸川　仁[1]
([1]東工大・生命理工学院, [2]東工大・科学技術創成研究院)

P52*　分裂酵母の細胞内レクチンVip36の解析
◯淺野里奈、川口宗馬、鈴木章太郎、田淵光昭、田中直孝
(香川大・農・応用生物)

エンドサイトーシス・輸送

P53　出芽酵母ジ・トリペプチド輸送体の基質特異性の解析
中川奈南[1]、Eldaa Zefany Kinsui[1]、◯北村憲司[2]
([1]広島大・工、[2]広島大・自然科学研セ)

P54* 小胞体からミトコンドリアへのステロールの輸送に関する研究
◯田　スチ、堀内裕之、福田良一
（東大院・農生科・応生工）

P55* 出芽酵母におけるSec14ファミリータンパク質による細胞内リン脂質輸送の解析
◯水池　彩[1]、小林新吾[1]、太田明徳[2]、堀内裕之[1]、福田良一[1]
（[1]東大院・農生科・応生工、[2]中部大・応生・応生化）

P56 エンドサイトーシス-リサイクリング経路におけるホスファチジルセリンの必要性
◯中山怜美[1]、福田志帆[1]、長野　真[1]、十島純子[1,2]、十島二朗[1]
（[1]東京理大・基礎工・生物工、[2]東京工科大・医療保健）

P57* Arf-GTPase活性化因子Glo3pによるエンドソーム-ゴルジ間逆行性輸送の制御
◯山下春香[1]、小林　宣[1]、長野　真[1]、十島純子[2]、十島二朗[1]
（[1]東京理大・基礎工・生物工、[2]東京工科大・医療保健）

P58* エンドサイトーシスにおけるFYVEドメインタンパク質Pib2pの機能解析
◯城崎優奈[1]、瀬戸貴成[1]、長野　真[1]、十島純子[2]、十島二朗[1]
（[1]東京理大・基礎工・生物工、[2]東京工科大・医療保健）

P59* アクチン調節因子Srv2pとプロフィリンによるクラスリン被覆小胞形成の制御機構
◯松澤みのり[1]、堀込知佳[1]、長野　真[1]、十島純子[1,2]、十島二朗[1]
（[1]東京理科大学・基礎工・生物工、[2]東京工科大学・医療保健）

P60* 低分子量GTPase Rho1pによるアクチンケーブルおよびエンドサイトーシスの制御機構の解析
◯樫村絵里子[1]、池田みづ希[1]、小澤彩夏[1]、長野　真[1]、十島純子[2]、十島二朗[1]
（[1]東京理科大学・基礎工・生物工、[2]東京工科大・医療保健）

P61* エンドサイトーシスにおけるPI4キナーゼStt4p, Pik1pの役割
◯青嶋海斗[1]、山本　航[1]、和田　卓[1]、草苅健太[1]、長野　真[1]、十島純子[2]、十島二朗[1]
（[1]東京理科大学・基礎工・生物工、[2]東京工科大・医療保健）

P62* Rab5非依存的な経路における酵母Rab7による液胞形成機構の解析
◯島村洋輝[1]、河田千絵[1]、長野　真[1]、十島純子[2]、十島二朗[1]
（[1]東京理大・基礎工・生物工、[2]東京工科大・医療保健）

P63 PI5キナーゼMss4pのアクチン仲介型エンドサイトーシスにおける役割
◯進藤礼奈[1]、和田卓[1]、長野　真[1]、十島純子[2]、十島二朗[1]
（[1]東京理科大学・基礎工・生物工、[2]東京工科大・医療保健）

P64 出芽酵母へのヒト型V-ATPase複合体の発現と機能性の解析
◯塚原彩菜[1]、阿部通子[1]、塩川舟華[1]、長野　真[1]、十島純子[2]、十島二朗[1]
（[1]東京理科大学・基礎工・生物工、[2]東京工科大・医療保健）

細胞周期・有性生殖

P65 細胞周期制御因子の定量イメージング
◯後藤祐平、青木一洋
（基礎生物学研究所）

P66* 分裂酵母のシングルセルRNA-seqによる細胞周期始動機構の解明
◯露崎　隼[1,2]、岡田直幸[1]、佐藤政充[1,3]
（[1]早大・院・生命医科、[2]産総研・CBBD-OIL、[3]早大・構造生物・創薬研）

P67 S期に関わる複製因子はRNAaseAに感受性がある
◯加藤由起、白髭克彦
（東大・分生研・ゲノム情報解析）

P68 出芽酵母を宿主としたMCM-BPの機能解析
刈谷真子[1]、長谷川和博[1]、林　亜紀[1]、鐘巻将人[2]、◯田中克典[1]
（[1]関西学院大・理工・生命、[2]国立遺伝研・分子細胞工学）

P69* スピンドルチェックポイントMad1の発現はPka1経路によって制御される
◯田部卓磨、酒井智健、川向　誠、松尾安浩
（島根大学・生物資・生命工）

P70 メタノール資化酵母*Ogataea polymorpha*の接合型変換に関与する因子の検索
山本勝良[1]、Thi N. M. Tran[2]、竹川　薫[2]、金子嘉信[1]、◯前川裕美[1,2]
（[1]阪大・院工、[2]九大・農）

P71 メタノール資化性酵母 *Ogataea minuta* における二倍体株の解析
◯吉原瑛梨奈[1,2]、小松崎亜紀子[1]、千葉靖典[1]、梅村真理子[2]、横尾岳彦[1]
（[1]産総研・創薬基盤、[2]東京薬科大・生命科学）

P72*　出芽酵母を用いた蛍光試薬の染色対象オルガネラ同定法の開発
◯緑川知輝[1]、鈴木邦律[1,2]
([1]東大・院新領域・先端生命、[2]東大・院新領域・バイオイメージングセンター)

新技術・イメージング・リソース

P73　*Pichia pastoris*を用いたメタノールセンサー細胞の開発とメタノール生成酵素の活性評価への応用
◯竹谷友之、由里本博也、阪井康能
(京大院農・応用生命)

P74　酵母脂肪滴の動態解析に有用な新たなマーカータンパク質の発見
◯奥　公秀、籠橋葉子、前田佑一郎、阪井康能
(京都大・院農・応用生命)

P75*　酵母のネック幅を制御する遺伝子の網羅的研究
◯久保佳蓮、島本卓弥、大貫慎輔、大矢禎一
(東京大学・院新領域・先端生命)

P76　高次元形態情報に基づく遺伝子機能特異的表現型の自動抽出
◯大貫慎輔、徐　聰涛、大矢禎一
(東大・院新領域・先端生命)

P77*　分裂酵母を宿主とした異種糖タンパク質の分泌生産システムの構築
◯福谷早紀[1]、陶山明子[2]、中北愼一[3]、片倉喜範[4]、樋口裕次郎[4]、竹川　薫[4]
([1]九大院・生資環、[2]別府大・食栄科、[3]香川大・総合生命、[4]九大院・農院)

P78*　Mn蓄積酵母の特性解析
◯岩田英大[1]、Tu Dang[2]、本田和希[1]、古田雅一[2]、岸田正夫[1]
([1]大阪府立大・院生環・応用生命科学、[2]大阪府立大・院工・量子放射線工学)

P79　大気圧常温プラズマによる酵母細胞死誘導機構の解析
糸岡洸樹、◯井沢真吾
(京都工繊大・院工芸科学・応用生物)

企業・団体による展示

展示企業　株式会社カネカ
ミネルヴァテック株式会社
安井器械株式会社

展示団体　ナショナルバイオリソースプロジェクト(NBRP)酵母
ナショナルバイオリソースプロジェクト(NBRP)原核生物(大腸菌・枯草菌)