

9月9日(木) (*はショートトーク)

12:00 受付開始、ポスター貼付
12:50 開会、事務連絡

オルガネラ・輸送(1) (座長: 奥 公秀、黒川量雄)

- 13:00 1 いかなるストレスが Unfolded Protein Response を引き起こすのか?
○木俣有紀、Thanyarat Promlek、河野憲二、木俣行雄(奈良先端大・バイオ)
- 13:13 2 分泌輸送における積荷タンパク質のライブイメージング
○岡本美智代¹、中野明彦^{1,2}(¹理研・基幹研、²東大・院理・生物科学)
- 13:26 3 Kre2 ファミリーマンノース転移酵素のゴルジ体局在における Svp26 の役割
○石井美奈子、原 武浩、野田陽一、依田幸司(東大院・農生科・応生工)
- 13:39 4 オルガネラ膜の動的構造解析
○阿部文快(青山学院大・理工、海洋研究開発機構・極限環境)
- 13:52 5 ホスファチジルエタノールアミンのオルガネラ間輸送機構の解析
○小林新吾、福田良一、太田明德(東大院・農生科・応生工)
- 14:05 6 酵母 γ セクレターゼ再構成系を用いた presenilin 変異体の解析
○二井勇人^{1,2}、柳下聡介²、石浦章一²
(¹東北大・院農・応用生命科学、²東大・院総・生命環境科学)
- 14:18 7* 出芽酵母のグリセロール培養時における脂肪滴の動態
○前田佑一郎、奥 公秀、阪井康能(京大・院農・応用生命)
- 14:26~14:45 休憩

代謝(1) (座長: 福田良一)

- 14:45 8 分裂酵母におけるポリペプトンにより促進される細胞溶解現象
○松尾祐児、水野康平、戒能智宏、川向 誠(島根大・生物資源・生命工学)
- 14:58 9 出芽酵母におけるプロリン・アルギニン代謝を介した NO 合成とその生理的意義
○西村 明、笹野 佑、大津徹生、高木博史(奈良先端大・バイオ)

- 15:11 10* Yeast Fatty Acid Synthase Subunit Requisite for Fatty Acyl Length Determination
○Juthaporn Sangwallek, Yoshinobu Kaneko, Minetaka Sugiyama, Hisayo Ono, Takeshi Bamba,
Eiichiro Fukusaki and Satoshi Harashima (Dept. Biotech., Grad. Sch. Eng., Osaka Univ.)

オートファジー・タンパク質分解 (1) (座長: 新谷尚弘、八代田英樹)

- 15:19 11 Ty1 virus-like particle は選択的オートファジーにより分解される
○鈴木邦律、森本真弓、近藤千香、大隅良典 (東工大・統合研究院)
- 15:32 12 オートファジーによるミトコンドリア分解機構
青木義政、廣田有子、三枝 徹、栗原悠介、康 東天、○神吉智丈
(九州大学医学研究院 臨床検査医学)
- 15:45 13 酵母 *Pichia pastoris* Atg17 のマイクロペクソファジーにおける機能
○井上暢人¹、田村直輝¹、奥 公秀¹、由里本博也¹、阪井康能^{1,2}
(¹京大院・農・応用生命、²JST・CREST)
- 15:58 14* ユビキチンの動態や量と局在変化
○木村洋子、下田鮎美、田中啓二 (都臨床研・蛋白質分解PT)
- 16:06 15* 出芽酵母の恒常的活性型ユビキチンリガーゼ Rsp5 の機能解析
○佐々木俊弥^{1,2}、高木博史¹ (¹奈良先端大・バイオ、²学振特別研究員)
- 16:14~16:35 休憩

情報伝達・遺伝子発現 (1) (座長: 前田達哉、饗場浩文)

- 16:35 16 浸透圧センサーはラフトによる制御をうけている
○谷川美頼、寺島 農、前田達哉 (東京大学・分生研)
- 16:48 17 分裂酵母 TOR の Spc1/Sty1 MAP キナーゼ経路を介したシグナル伝達の解析
○石黒順平、芝原健太、植田祐美、中村 恵 (甲南大・理工・生物)
- 17:01 18 TSC-Rhb-TOR シグナル伝達経路におけるアミノ酸透過酵素の制御機構
○中瀬由起子¹、村井朋香¹、中瀬 舞²、竹川 薫²、松本智裕¹
(¹京大・院・生命科学/放生研、²九大・院・農学)

- 17:14 19 分裂酵母の低分子量型 G タンパク質 Ryh1 による target of rapamycin 複合体2経路の制御
○森ヶ崎 進¹、建部 恒²、秦野智行¹、塩崎一裕²、高木博史¹
(¹奈良先端大・バイオ、²Microbiology・Univ. of California, Davis)
- 17:27 20 細胞表面膜タンパク質 Ecm33 による細胞統御シグナル制御機構
○堂前光宏¹、高田宏文¹、西田藍子¹、喜多綾子¹、益子 高²、杉浦麗子¹
(¹近畿大薬・分子医療・ゲノム創薬学、²近畿大薬・細胞生物学)
- 17:40 21 RNA 結合蛋白質 Nrd1 は MAPK シグナル依存的に Stress Granule 形成を制御する
○佐藤亮介^{1,2}、森田貴大¹、高田宏文¹、喜多綾子¹、石渡俊二¹、萩原加奈子¹、松村康弘¹、
田中章友¹、谷 時雄³、林 紗千子³、多賀 淳⁴、杉浦麗子¹
(¹近畿大・院薬・分子医療・ゲノム創薬学、²日本学術振興会特別研究員 DC、³熊本大・院自然科学・生命科学、⁴近畿大・薬・薬品分析学)
- 17:53 22* フェロモンペプチドの1次構造は変更可能か
○下田 親¹、清家泰介²、中村太郎^{1,2}
(¹大阪市立大・院理・酵母遺伝資源センター、²生物地球系専攻)
- 18:15~19:30 **ポスター説明 (奇数番号)**
- 19:15~ 運営委員会

9月10日(金) (*はショートトーク)

分裂装置・減数分裂 (座長：丑丸敬史、田中克典)

- 9:20 23 分裂酵母における収縮環形成のライブ観察
井上紗貴、○柏崎 隼、白戸悠香子、馬淵一誠 (学習院大・理・生命科学)
- 9:33 24 細胞質分裂における Rho1 の役割と、Cyk3 による新たな Rho1 活性制御メカニズム
○大西雅之、西浜竜一、Nolan Ko、John R. Pringle (スタンフォード・医)
- 9:46 25 ジャポニカス酵母菌における核膜動態の遺伝学的解析
○青木敬太、古谷寛治、仁木宏典 (国立遺伝学研究所)
- 9:59 26 分裂酵母 ATF/CREB ファミリー転写因子 Atf21 の機能解析
○山田貴富¹、森田智彦²、山田真太郎¹、松本幸次²、太田邦史¹
(¹東大・院総合文化・広域科学、²埼玉大・院工・生命先端)

- 10:12 27 分裂酵母の減数第二分裂は、極間微小管への依存度が低い特殊な分裂である
○明楽隆志、佐藤政充、山本正幸（東大・院理・生物化学）
- 10:25 28 酵母 Rpd3/HDAC の減数分裂における機能解析
○湯川格史、河村 浩、土屋英子（広島大院・先端物質科学）
- 10:38 29 減数分裂期の染色体分配におけるキアズマの働き
広瀬幸伸、鈴木 廉、大羽辰典、日野原裕美、松原央達、○山本 歩（静大・理・化学）
- 10:51~11:10 休憩

オートファジー・タンパク質分解（2）（座長：鈴木邦律）

- 11:10 30 PNGase (peptide: N-glycanase) 依存的 ERAD 機構の解析
○細見 昭¹、田邊 香²、平山弘人¹、鈴木 匡^{1,3}
（理研・基幹研・糖鎖代謝学研究チーム¹、大阪大学²、CREST, JST³）
- 11:23 31* 網羅的なスクリーニング法の確立によるオートファジー活性制御機構の解析
○吉良新太郎、吉森 保、野田健司（阪大・生命機能）
- 11:31 32* 出芽酵母の変異型モノカルボン酸輸送体 Jen1 の分解様式
佐藤大地、机 伸太郎、大橋優隆、葛西寛一、五味勝也、○新谷尚弘
（東北大・院農・生物産業創成科学）
- 11:39 33* 新規プロテアソーム結合蛋白質 Pic1 の解析
○八代田英樹、戸田陽介、村田茂穂（東大・薬・蛋白質代謝）

ゲノム・ポストゲノム（座長：星田尚司）

- 11:47 34 ナショナルバイオリソースプロジェクト(NBRP)(酵母)に新たに加わったユニークなリソース
○中村太郎¹、守屋央朗²、鐘巻将人³、原島 俊⁴、下田 親¹、金子嘉信⁴
（¹ 大阪市立大・院理・生物地球、² 岡山大学・異分野融合先端研究コア、³ 大阪大学・院理・生物科学、大阪大学・院工・生命先端）
- 12:00 35 次世代シーケンサーを用いた清酒酵母群の網羅的ゲノム解析
○赤尾 健¹、渡辺大輔¹、石川雄章²、下飯 仁¹、（¹酒総研、²醸造協会）

12:13 **36*** 担子菌系酵母 *Pseudozyma antarctica* のゲノム解析
○森田友岳¹、小池英明²、小山芳典²、町田雅之²、福岡徳馬¹、井村知弘¹、北本 大¹
(¹産総研・環境化学、²産総研・生物プロセス)

12:21~13:30 昼食

13:30~14:45 **ポスター説明 (偶数番号)**

DNA・染色体 (1) (山本 歩、山田貴富)

14:45 **37** エピジェネティックな遺伝子発現状態変化メカニズムの解析
畑中彬良¹、眞野恭伸¹、内田博之¹、○沖 昌也^{1,2}
(¹福井大・院工・生物化学、²JST・さきがけ)

14:58 **38** 酵母の寿命を左右するノンコーディングな転写活性
坂 季美子¹、井手 聖^{1,2}、ガンレイ オーステン^{1,3}、○小林武彦^{1,4}
(¹国立遺伝学研・細胞遺伝研究部門、²現 CNRS、³現マッセイ大、⁴総研大・遺伝学専攻)

15:11 **39** 出芽酵母における新規ヌクレオソーム形成機構の解明
○増本博司、八戸真弓 (筑波大・生命環境)

15:24 **40** テロメア短縮により誘導される細胞応答の分子機構の解析
○松井愛子、松浦 彰 (千葉大・院・融合科学)

15:37 **41** 真核生物における DNA 複製制御機構とゲノム安定維持・高次複製制御機構
○田中誠司、荒木弘之 (遺伝研・微生物遺伝、総研大・遺伝学専攻)

15:50 **42** 分裂後期脱出におけるセキュリン Pds1 とセパラーゼ Esp1 の働き
端野裕樹、大吉崇文、瓜谷眞裕、山本 歩、○丑丸敬史 (静岡大学・理学部)

16:03 **43*** SUMO 化修飾による分裂酵母 Swi6 の機能制御機構の解明
○山辺史貴¹、石田真由美³、中山潤一³、田中克典^{1,2} (¹関西学院大・理工・生命科学、
²関西学院大・生命環境科学研究センター、³理研 CDB・クロマチン動態チーム)

16:11~16:30 休憩

オルガネラ・輸送 (2) (座長: 阿部文快、野田陽一)

- 16:30 44 出芽酵母の β -1,6-グルカン合成関連遺伝子 *KRE6* 産物の解析
 ○栗田朋和¹、野田陽一¹、高木智子²、大隅正子^{2,3}、依田幸司¹
 (¹東大・院農・応用生命工学、²日本女子大・BIC、³IIRS)
- 16:43 45 アミノ酸トランスポーターのユビキチン化は、外界の基質アミノ酸濃度に応答してユビキチンリガーゼ Rsp5 がリクルートされることで調節される
 ○畠山理広、前田達哉 (東京大学・分生研)
- 16:56 46 クラスリンアダプターAP-1 複合体結合タンパク質 Its4 のメンブレントラフィックにおける役割
 ○于 陽¹、喜多綾子¹、高田宏文¹、有働雅子¹、李 翠芳¹、杉浦麗子
 (¹近畿大学・大学院・薬学研究科)
- 17:09 47 COPII コートタンパク質の局在とダイナミクス
 ○黒川量雄¹、中野明彦^{1,2} (¹理研・基幹研・中野生体膜、²東京大・院・理・生物科学)
- 17:22 48 Sec4p 時空間活性の可視化
 ○墨谷暢子¹、黒川量雄¹、中野明彦^{1,2} (¹理研・基幹研、²東京大・院・理・生物科学)
- 17:35 49 酵母 *Saccharomyces cerevisiae* の高親和性単糖輸送体 Hxt7 の膜貫通領域 7 の基質親和性を規定するアミノ酸残基の同定
 ○笠原敏子、笠原道弘 (帝京大・医・物理)
- 17:48 50 酵母 (*S. cerevisiae*) による膜輸送体の異種発現系の確立
 ○笠原道弘、笠原敏子 (帝京大・医・物理)
- 18:10 総会
- 19:15 懇親会 (あしびの郷)

9月11日 (土) (* はショートトーク)

代謝 (2) (座長: 戒能智宏)

- 9:20 51 *Kluyveromyces lactis* における β 型ガラクトースの選択的取り込み
 ○深沢俊夫¹、内藤 晶²、中村 惇²、阿部章夫¹
 (¹北里大学北里生命科学研究所 ²横浜国立大学大学院工学研究科)

- 9:33 52 アルカン資化性酵母 *Yarrowia lipolytica* のチトクロム P450ALK 遺伝子群の多重破壊株の作製と解析
○小林 哲、福田良一、太田明德（東大院・農生科・応生工）
- 9:46 53 分裂酵母のトリグリセリドリパーゼ遺伝子の解析
○植村 浩^a、矢澤 彌^a、神坂 泰^a、木村和義^a、木村英俊^b、東田英毅^b、熊谷博道^b
（^a産総研・生物プロセス研究部門、^b旭硝子・ASPEX）

細胞分化・細胞周期制御 （座長：湯川格史）

- 9:59 54 ジャポニカス分裂酵母の DNA ストレスによる菌糸誘導
古谷寛治、○仁木宏典（国立遺伝学研究所・系統生物、総研大・遺伝学）
- 10:12 55* *S. cerevisiae* における分裂酵母 Ecl1 ファミリーの解析
○東 劍虹¹、大塚北斗¹、村上浩士²、饗場浩文¹（¹名大院・農、²名市大・医）
- 10:20 56* Pho85 キナーゼはアルカリストレスによる細胞周期制御に関与する
○西沢正文¹、東江昭夫²（¹慶應大・医、²千葉大・真菌医学研究センター）
- 10:28~10:45 休憩

情報伝達・遺伝子発現（2） （座長：森ヶ崎 進）

- 10:45 57 MADS-box 型転写因子 Mbx1 の標的因子の同定と Ca²⁺/Calcineurin シグナル伝達経路における役割
○内田篤史、山野友希、森内サヤ子、朝山雄太、比嘉真理、山岸尚広、喜多綾子、石渡俊二、杉浦麗子（近畿大・院薬・分子医療・ゲノム創薬学）
- 10:58 58 MADS-box 型転写因子 Mbx1 の Exportin による局在制御と転写活性への影響
○山野友希¹、森内サヤ子¹、朝山雄太¹、比嘉真理¹、山岸尚広¹、喜多綾子¹、石渡俊二¹、杉浦麗子¹（¹近畿大・院薬・分子医療・ゲノム創薬学）
- 11:11 59 RNA 結合タンパク質 Khd1p は細胞壁合成系において Ccr4p, Pop2p/Caf1p とオーバーラップした機能をもつ
伊藤 渉、○入江賢児（筑波大・院人間総合・分子細胞生物学）
- 11:24 60* 出芽酵母転写活性化因子 Gln3 の局在と転写活性化能の制御におけるプロテインホスファターゼ Sit4 と Sit1 の機能
○沼本 穂、杉山峯崇、金子嘉信、原島 俊（阪大・院工・生命先端）

11:32~13:00 昼食

DNA・染色体（2） （座長：沖 昌也、田中誠司）

- 13:00 **61** 微小管結合タンパク質 Alp14 の機能と局在制御機構の解析
○岡田直幸、佐藤政充、山本正幸（東大・院理・生化）
- 13:13 **62** セントロメアの形成を限定する機構に関与する Cnp3 の機能解析
○須摩美智子¹、北川哲平¹、小田智世²、松本智裕^{1, 2}
（¹京都大学・生命科学研究科、²京都大学・放射線生物研究センター）
- 13:26 **63** IN080 クロマチンリモデリング複合体のゲノム安定性維持への寄与
○若林一陽¹、尾間由佳子¹、島田健士²、原田昌彦¹
（¹東北大・院農・分子生物、²Friedrich Miescher Institute, Basel）
- 13:39 **64** 分裂酵母の減数分裂期組換えホットスポットにみられるヒストン修飾
○山田真太郎^{1, 2}、山田貴富²、太田邦史^{1, 2}（¹東大・理 ²東大・院総合文化）
- 13:52 **65** 分裂酵母 Mrc1 の DNA 複製開始複合体への結合様式の解明
○坂井俊介¹、佐々木秀徳¹、田口憲一¹、升方久夫³、田中克典^{1, 2}
（¹関西学院大・理工・生命科学、²関西学院大・生命科学環境科学研究センター、³阪大・院理・生物科学）
- 14:05 **66** 出芽酵母における染色体外遺伝因子 2 μ m プラスミドの分配機構
○岡田貴文、水田啓子（広島大院・生物圏）
- 14:18 **67** *Kluyveromyces marxianus* におけるプラスミドの新しい構築法
○村上允唯¹、Babiker M. A. Abdel-Banat¹、浅川 潤¹、田村涼子¹、吉川晃一²、星田尚司¹、赤田倫治¹（¹山口大院・医系・応用分子生命、²山口大・工・応化）
- 14:31 閉会

ポスター発表

染色体

- P1** 分裂酵母 Pot1 と Rqh1 は正常な染色体分配に必要である
○高橋克典、上野 勝（広島大・院先端研・分子生命）
- P2** 下面発酵酵母への接合能の付与
○小林 統、吉田 聡、金井圭子（キリンホールディングス（株）フロンティア技術研究所）
- P3** 分裂酵母の減数分裂前期におけるテロメア集合機構は細胞質微小管および微小管モータータンパク質に依存する
○吉田昌史¹、勝山 聡¹、三木双葉²、岡崎孝映²、原口徳子³、丹羽修身²、平岡 泰³、山本 歩¹
（¹静大・理、²かずさDNA研究所、³情通機構・バイオ ICT）
- P4** *Saccharomyces cerevisiae* における染色体任意領域重複技術の開発
○岩見康太郎¹、杉山峰崇¹、金子嘉信¹、原島 俊¹（¹阪大院・工・生命先端）
- P5** テロメア-核膜ネットワークによる M 期制御機構
辻井久代¹、近重裕次²、渡邊祐三³、齋藤基輝³、石川冬木³、平岡 泰²、○加納純子¹
（¹阪大・蛋白研、²情通機構・生物情報、³京大・院生命科学）
- P6** 出芽酵母アクチン関連タンパク質 Arp6 のゲノム安定性維持への関与
○中山景樹¹、若林一陽¹、秋村和美¹、吉田貴人¹、島田健士²、Susan Gasser²、原田昌彦¹
（¹東北大・院農・分子生物、²Friedrich Miescher Institute, Basel）
- P7** 分裂酵母 SCF ユビキチンリガーゼの減数分裂における染色体分配での役割
○岡本真也、佐藤政充、山本正幸（東大院・理・生化）
- P8** 分裂酵母の減数分裂における染色体制御因子の探索と解析
○松原央達¹、山本 歩²（¹静大院創造、²静大理）
- P9** 分裂酵母の核内膜蛋白質の核構造維持における役割
○前川裕美、浅川東彦、近重裕次、原口徳子、平岡 泰
（情報通信研究機構神戸研究所 未来 ICT 研究センター）

転写制御

- P10** 白神こだま酵母より分離した高トレハロース蓄積株の解析
○中沢伸重、小畑由子、伊藤佳緒理、大戸真紀子、¹高橋慶太郎
(秋田県大・生資・応生、¹秋田総食研)
- P11** 酸化ストレスに応答したプロリンオキシダーゼ遺伝子の転写活性化機構の解析
○井田貴之、西村 明、笹野 佑、高木博史 (奈良先端大・バイオ)
- P12** Identification and characterization of a gene, *POR1*, implicated in the transcriptional regulation of fatty acid utilization in *Yarrowia lipolytica*
○Napapol Poopanitpan, Satoshi Kobayashi, Ryouichi Fukuda, and Akinori Ohta
(Department of Biotechnology, The University of Tokyo)
- P13** 過剰発現によってイオンストレス耐性を示す転写活性化因子 Pog1 の機能解析
○大城 聡、高木博史 (奈良先端大・バイオ)
- P14** 分裂酵母ガラクトース資化株を用いた *GAL* 遺伝子発現制御機構の解析
○松沢智彦¹、藤田康子²、田中直孝²、板谷有希子³、竹川 薫¹
(¹九大院・農・生命機能、²香大・農・応用生物、³ネオ・モルガン研究所)
- P15** 酵母クロマチン再編因子 RSC の機能に関わる遺伝子群の網羅的解析
○千原裕貴、湯川格史、土屋英子 (広島大院・先端物質科学)
- P16** Characterization of a suppressor of Δ *rrn10* disruptant displaying the defect in rRNA transcription in *Saccharomyces cerevisiae*
○Varesa Chuwattanakul, Fahmida Khatun, Kenta Kurata, Isao Tomita, Minetaka Sugiyama, Yoshinobu Kaneko and Satoshi Harashima (Dept. Biotech., Grad. Sch. Eng., Osaka Univ.)

遺伝子発現

- P17** エタノールストレス応答における酵母 stress granule 形成とその生理学的意義
○加藤健太¹、山本陽佑¹、三木健夫²、若井芳則³、井沢真吾¹
(¹京都工繊大・応生、²山梨大・ワイン研、³黄桜)
- P18** Pab1p による翻訳非依存の mRNA 安定化機構
○坪井達久、稲田利文 (名古屋大・院理・生命理学)
- P19** 出芽酵母の乳酸耐性における細胞内アミノ酸の重要性
○鈴木俊宏、若園健太、杉山峰崇、金子嘉信、原島 俊 (阪大院・工・生命先端)

P20 分裂酵母の減数分裂で働く RNA 結合タンパク質 Spo5p の解析
○富樫直之¹、佐藤政充¹、山本正幸¹ (¹東大・院理・生化)

P21 開始コドン上流と ORF 中の配列が遺伝子発現に与える影響
○平川雄基、星田尚司、赤田倫治 (山口大・医・分子生命)

情報伝達

P22 分裂酵母 TORC1 による栄養依存的なリボソームタンパク S6 のリン酸化制御
○中嶋昭雄^{1,2}、玉野井冬彦¹ (¹Dept. of MIMG UCLA、²神戸大バイオシグナル)

P23 Ca²⁺による転写因子 Msn2/Msn4 のカルシニューリン/Crz1 依存的な核内分解
○大舘 巧、高話佳史、前田和宏、野村 亘、井沢真吾¹、井上善晴
(京大院・農・応生科、¹京工繊・工芸科・応用生物)

P24 Disruption of *PTP2* and *MSG5* in *Saccharomyces cerevisiae* causes chronic stress response upon exposure to high extracellular calcium
○Walter A. Lavina, Hermansyah, Minetaka Sugiyama, Yoshinobu Kaneko, Satoshi Harashima
(Dept. Biotech., Grad. Sch. Eng., Osaka Univ.)

P25 ペルオキシレドキシシン Ahp1 による有機過酸化物の感知と転写因子 Cad1 のジスルフィド形成誘導
○岩井健太^{1,2}、永沼 章²、久下周佐^{1,2} (¹東北薬科大、²東北大・薬)

ポストゲノム・新しい技術

P26 酵母プロテインキナーゼ *KIN3* 作用関連遺伝子のゲノムワイド解析
○鈴木絢子、星田尚司、赤田倫治 (山口大院、医系、応用分子生命)

P27 分裂酵母完全長 cDNA 解析による新規スプライシング部位の発見と解析
○矢作明子¹、成田貴則²、森田雅代²、叶 炎芳¹、山崎由紀子²、小原雄治²、下田 親¹、中村太郎¹
(¹大阪市立大・院理・生物地球系、²国立遺伝研・遺伝情報)

P28 研究を支える酵母遺伝資源：文部科学省 NBRP 酵母 2010
○金子嘉信²、中原富美子¹、原島 俊²、下田 親¹、中村太郎¹
(¹大阪市立大・院理・生物地球系、²阪大・院工・生命先端)

P29 任意の遺伝子の N 末端及び C 末端にタグを挿入するためのプラスミドの構築
○舟越 稔^{1,2,3}、Mark Hochstrasser²、山本 泰¹、小林英紀³
(¹岡大院・自然科学、²Dept. of MB&B, Yale Univ.、³岡大・教育開発・教育システム)

P30 *Pseudozyma antarctica* のマンノシルトランスフェラーゼ遺伝子 *PaEMT1* の解析
○伊藤絵美、森田友岳、福岡徳馬、井村知弘、北本 大 (産総研・環境化学)

- P31** 酵母のサイリスタ様遺伝子スイッチ
○松山 崇¹、山西 守¹ (¹(株) 豊田中央研究所・松山研究グループ)
- P32** 分裂酵母染色体末端大規模削除株の構築
○佐々木真弓、中島香菜、東田英毅 (旭硝子・ASPEX 事業部)
- P33** 高温・酸・エタノール耐性を持つ高発酵性酵母のゲノム育種
○長谷川大介¹、横田大樹¹、杉山峰崇¹、金子嘉信¹、片倉啓雄¹、Chuenchit Boonchird³、
原島 俊¹(¹阪大院・工・生命先端,²関西大・工・生物工学,³Dept. Biotech. Mahidol Univ.)
- P34** ヒト常在性酵母 *Candida glabrata* の染色体分断と感染機構の解析
○百地史郎、文谷政憲、前田淳史、水野貴之 (徳島文理大学院・工・ナノ物質)
- P35** 酵母・乳酸菌間の凝集と複合バイオフィルム形成
○平山 悟、磯前亮介、能島菜績、古川壮一、荻原博和、森永 康 (日大・生物資源科学部)
- P36** 耐熱性酵母 *Kluyveromyces marxianus* の耐熱性遺伝子の探索
○内藤彰紀、池田健太郎、星田尚司、赤田倫治 (山口大院・医系・応用分子生命)
- P37** *Kluyveromyces marxianus* の DNA 非相同末端結合による遺伝子クローニング
○田村涼子、星田尚司、赤田倫治 (山口大院・医系・応用分子生命)
- P38** 改良型バイオアッセイ用酵母株を用いたヒト核内受容体のリガンド応答性
○原島小夜子、山田りな、又野真実、椎崎一宏、川西優喜、八木孝司
(大阪府立大、先端科学イノベーションセンター)
- P39** Physiological characterization of high-temperature tolerant *Saccharomyces cerevisiae* strain
○Benjaphokee Suthee¹、Minetaka Sugiyama¹、Yoshinobu Kaneko¹、Chuenchit Boonchird²、Satoshi Harashima¹ (¹Dept. of Biotechnol., Osaka Univ.,²Dept. of Biotechnol., Mahidol Univ., Thailand)

代謝・代謝調節

- P40** 細胞壁合成とエタノール発酵の関連性について
○渡辺大輔¹、平田愛子²、根岸孝寛²、大矢禎一²、野口千笑¹、赤尾 健¹、下飯 仁¹
(¹酒総研、²東大院・新領域)
- P41** 出芽酵母のグルタチオンによるアセトアルデヒドストレス耐性機構
○松藤淑美、早川享志、中川智行 (岐阜大・応用生物)
- P42** 酵母におけるプロリン・アルギニン代謝を介した細胞保護機能
○白川麻耶、西田郁久、西村 明、大津巖生、高木博史 (奈良先端大・バイオ)

- P43** キシロース発酵性凝集性酵母のメタボローム解析
○松鹿昭則¹、永嶋 淳²、澤山茂樹^{1,3}
(¹産総研・バイオマス研究センター、²HMT(株)、³京大院農・応生物科)
- P44** 出芽酵母における新規寿命制御因子の探索と機能解析
○椿山諒平, 水沼正樹, 久米一規, 宮川都吉, 平田 大 (広島大院・先端研・分子生命)

タンパク質分解

- P45** 出芽酵母 19S プロテアソーム制御因子 Lid 複合体の分子集合
○福永圭佑^{1,2}、工藤 泰¹、東江昭夫³、田中啓二¹、佐伯 泰¹
(¹都臨床研・蛋白質分解、²新潟大・院医歯・医科学、³千葉大・真菌医研セ)
- P46** 小胞体ストレスセンサー Ire1 分子同士の出会いは偶然では無い？
○滝沢 健、木俣有紀、河野憲二、木俣行雄
(奈良先端科学技術大学院大学・バイオサイエンス研究科)
- P47** ユビキチンリガーゼ Rsp5 によるストレスで生じた異常タンパク質分解機構の解析
○鈴木悦子、佐々木俊弥、高木博史 (奈良先端大・バイオ)
- P48** リボソーム生合成に及ぼす N^ε-アセチル化修飾の影響
○万 クン、岡田貴文、水田啓子 (広島大院・生物圏)
- P49** アスパルチルアミノペプチダーゼ Ape4 は Cvt 経路によって液胞へ輸送される
○柚賀正樹、五味勝也、新谷尚弘
(東北大・院農・生物産業創成科学専攻)
- P50** ヒストン脱アセチル化酵素の阻害剤によって高温下で生育可能になる分裂酵母変異株の同定と解析
○松村拓洋¹、中世古幸信²、中村隆宏²、松山晃久¹、柳田充弘²、吉田 稔¹
(¹理研・ケミカルゲノミクス研究グループ、²京大院・生命科学)
- P51** UBR ユビキチンリガーゼによる低分子ペプチド・アミノ酸の利用制御
○北村憲司、砂原恵美、山下一郎 (広島大・自然科学研セ・遺伝子)

オルガネラ・輸送

- P52** 出芽酵母の液胞に存在する新規プロリントランスポーターの探索と機能解析
○西田郁久¹、戒能智宏²、大津厳生¹、高木博史¹
(¹奈良先端大・バイオ、²島根大院・生物資源・生命工学)

- P53** 低分子量 G タンパク質 Rab GTPase を介した細胞膜輸送システムによるイノシトールリン脂質合成酵素 PI(4)P5K の制御メカニズム
○李 翠芳¹, 喜多綾子¹, 橋本佑香¹, 石渡俊二¹, 杉浦麗子¹
(¹近畿大・薬・分子医療・ゲノム創薬学)
- P53** 分裂酵母の糖鎖修飾及び BiP の漏出に関与する Gmn2p の機能解析
○平井啓介、岡本紘一、竹川 薫¹、田中直孝
(香川大・農・応用生物、¹九大院農院・生機科)
- P55** 分裂酵母における出芽酵母 *IPTI* 遺伝子発現によるスフィンゴ糖脂質の改変とその影響
○中瀬 舞¹、谷 元洋²、竹川 薫¹ (¹九大・院・生資環、²九大・院・理)
- P56** COPII カーゴレセプター Erv14 に関する真核生物で保存された機能の解析
○中西秀樹、和田郁夫 (福島県医大・医・生体情報伝達研)
- P57** *Saccharomyces cerevisiae* のゴルジ体に見出された新規タンパク質 Gvp36 の解析
○井上一朗、稲留弘乃、檜原裕治郎、野田陽一、依田幸司 (東大院・農生科・応生工)
- P58** GPI の脂質リモデリングはマイクロドメイン局在膜タンパク質の正しい局在化に必須である
○市川大輔^{1,2}、横尾岳彦¹、地神芳文¹ (¹産総研・糖鎖医セ、²筑波大・院生命環境科学・生物科学)
- P59** 糖鎖合成欠損株 *och1Δ* が生成する遊離糖鎖の解析
○平山弘人、鈴木 匡 (理研・基幹研・システム糖鎖・糖鎖代謝学)
- P60** 分裂酵母の分泌経路に関与するレクチン様タンパク質の解析
○梨子木健人、鈴木章太郎、竹川 薫¹、田中直孝
(香川大・農・応用生物、¹九大院・農・生物機)
- P61** 出芽酵母におけるゴルジ体のライブイメージング
○須田恭之¹、中野明彦^{1,2} (¹理研・基幹研・中野生体膜、²東大・院理・生物科学)

細胞分化・細胞周期

- P62** 分裂酵母 RNA 結合タンパク質 Mug28 による配偶子形成の制御機構
○奥崎大介¹、重久 晃¹、笠間隆志¹、東田英毅²、平田愛子³、野島 博¹
(¹阪大・微研・分子遺伝、²旭硝子・ASPEX、³東大・院新領域・先端生命)
- P63** 分裂酵母 Hsf1 は Ec11, 2, 3 を介して経時寿命を延長させる
○大塚北斗¹、東 劍虹¹、村上浩士²、饗場浩文¹
(¹名大院・生命農学、²名市大・医)

- P64** 分裂酵母における新しい胞子形成関連遺伝子の単離と解析
○今田一姫、寺口絵理香、下田 親、中村太郎 (大阪市立大・院理・生物地球)
- P65** アクチン結合タンパク質 Cis3 と MAP キナーゼ経路のクロストークによる細胞質分裂の制御
○武田章弘、高部朋幸、高村 暁、杉本けい子、喜多綾子、梅田奈苗、石渡俊二、杉浦麗子 (近畿大院・薬・分子医療・ゲノム創薬学)
- P66** 分裂酵母における Ebp2 の機能解析
○曲野美紀¹、中川浩子¹、五島徹也²、久米一規²、上野 勝²、平田 大²、水田啓子¹
(¹広島大院・生物圏、²広島大院・先端物質)
- P67** 出芽酵母 *CDC6* のロバストネス解析
○吉田由紀^{1, 2}、海津一成^{1, 2, 3}、北野宏明^{1, 2}
(¹ソニーCSL、²癌研・システムバイオロジー部、³慶應大学院・理工)
- P68** キラー因子 PaT による tRNA 切断と DNA 損傷誘導の関連
○茂松 恵、小川哲弘、北本宏子¹、日高真誠、正木春彦
(東大院・農生科・応生工、¹農環研)
- P69** 分裂酵母の減数分裂に必須な non-coding RNA である meiRNA のドット形成機構
○七野悠一¹、山下 朗¹、山本正幸¹ (¹東大・院理・生化)
- P70** 分裂酵母の有性生殖開始を制御する TOR キナーゼ経路の解析
○大坪瑤子、山下 朗、大野速雄、山本正幸 (東大・院理・生化)
- P71** 分裂酵母の新しい接合型ペアの人為的作製
○清家泰介¹、山岸由和²、中村太郎¹、飯尾英夫²、下田 親¹
(¹大阪市立大・院理・生物地球、²大阪市立大・院理・物質分子)
- P72** 出芽酵母の形態形成に必要な遺伝子 *BNI1* と *BOI1* のゲノムワイド解析
○北川孝雄、中村公美、旭 沙織、福永知晃、星田尚司、赤田倫治 (山口大院・医学系研究科)
- P73** Characterization and Functional Analysis of Fission Yeast MCM-BP
○ Venny Santosa^{1,2}, Fumitaka Yamabe¹, Katsunori Tanaka^{1, 2} (¹Department of Bioscience, ²Research Center of Environmental Bioscience, Faculty of Science and Technology, Kwansai Gakuin University)